

Algorithmique
Cours 9 : Algorithme de Kruskal
ROB3 – année 2014-2015

Algorithme de Kruskal

Principe de l'algorithme :

(H est à la fin de l'algorithme un arbre couvrant de coût minimum)

Algorithme de Kruskal:

Trier les arêtes par coût croissant;

H = arbre vide;

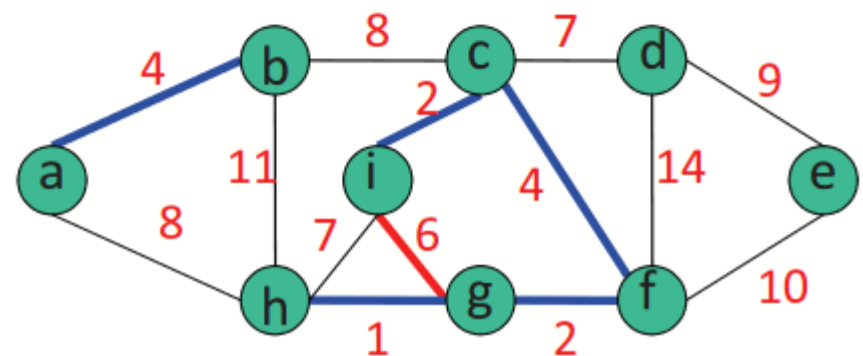
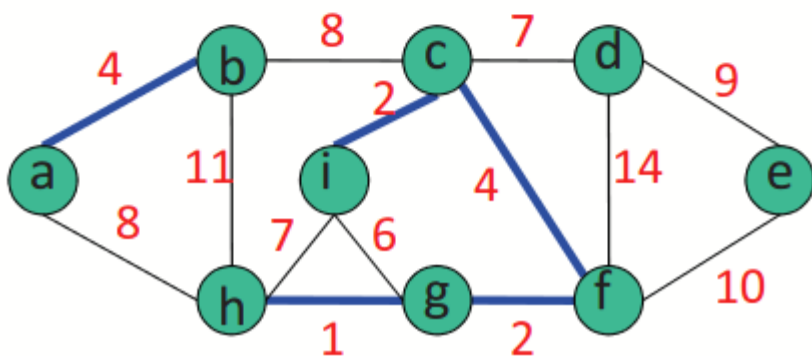
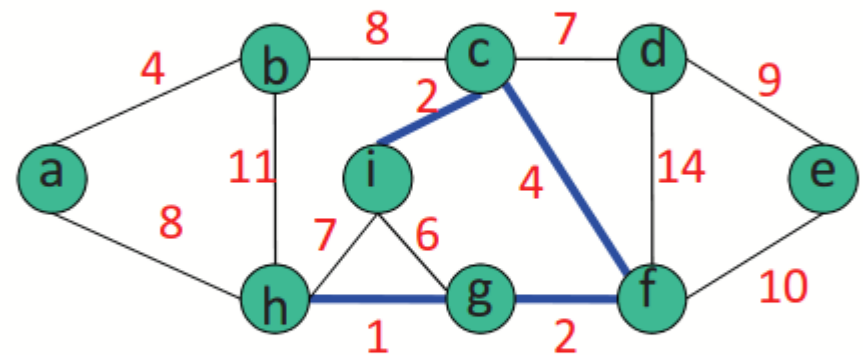
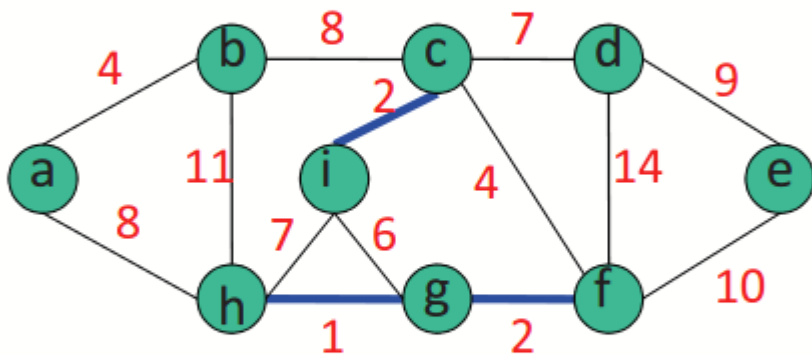
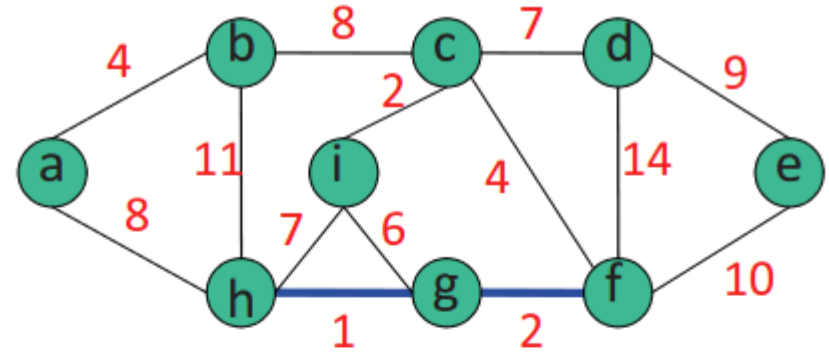
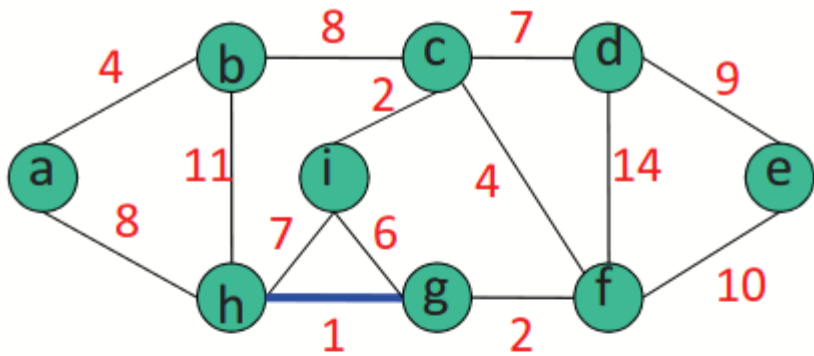
Examiner dans l'ordre chacune des arêtes $\{x,y\}$:

S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H :

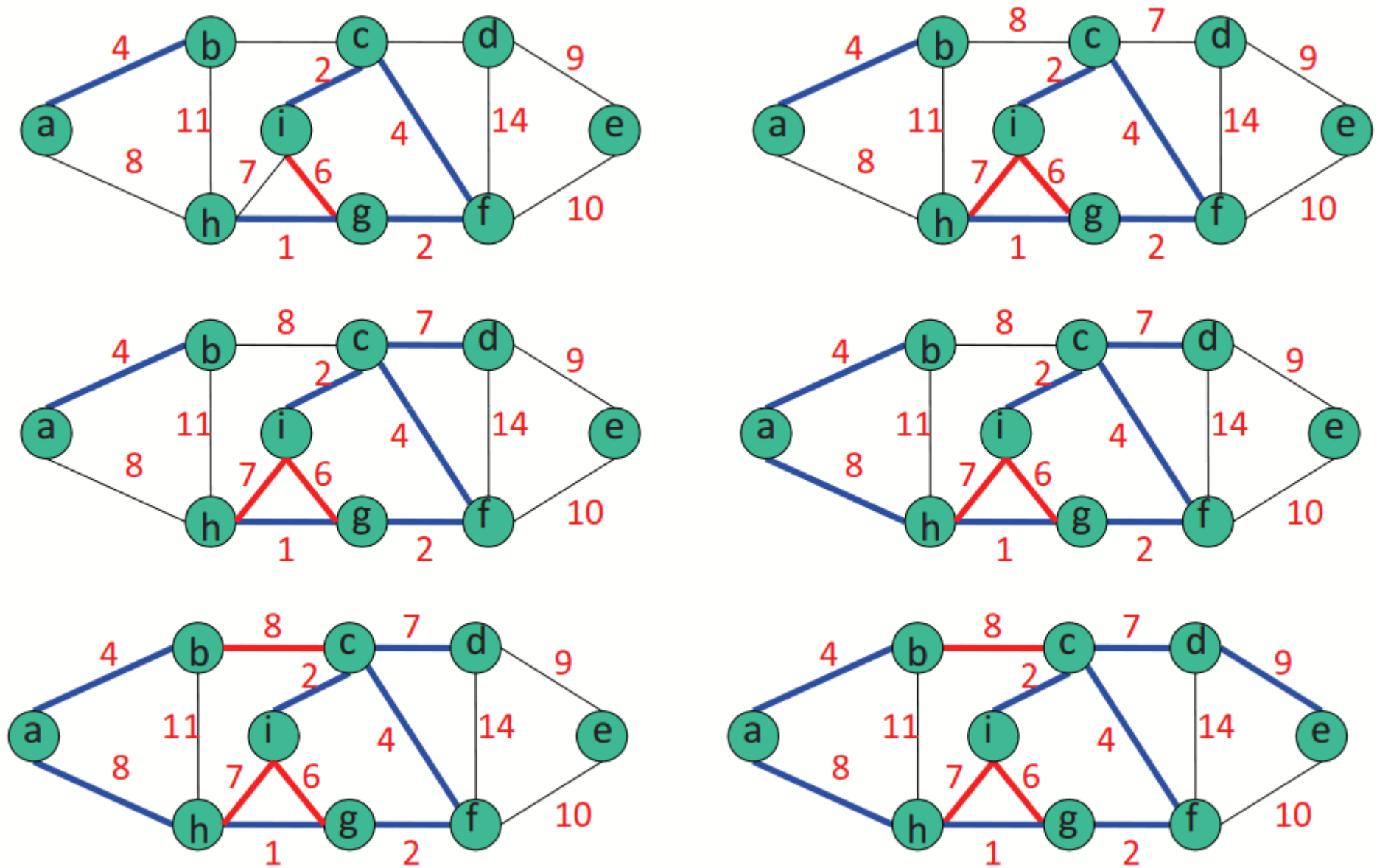
$H = H \cup \{x,y\}$

FinSi

Une exécution de l'algorithme de Kruskal



Une exécution de l'algorithme de Kruskal (suite)



Validité de l'algorithme de Kruskal

Hypothèse simplificatrice. Les coûts sont deux à deux distincts.

Propriété des cocycles. Soit S' un sous-ensemble (strict) de S , et e l'arête de plus petit coût parmi celles qui ont exactement une extrémité dans S' et une autre dans $S \setminus S'$. Alors tout arbre couvrant minimum comporte e .

Preuve de validité de l'algorithme de Kruskal.

Lors de l'ajout d'une arête $e = \{s, s'\}$ par l'algorithme de Kruskal, e est **minimum dans le cocycle** comportant les arêtes qui ont exactement une extrémité dans la composante de s (appelons S' les sommets de cette composante) et une autre dans $S \setminus S'$. D'après la propriété des cocycles, cette arête appartient à tout arbre couvrant minimum. D'où la validité.

Complexité de l'algorithme de Kruskal

Algorithme de Kruskal:

Trier les arêtes par coût croissant;

H = arbre vide;

Examiner dans l'ordre chacune des arêtes $\{x,y\}$:

S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H :

$H = H \cup \{x,y\}$

FinSi

Trier(ensemble des arêtes) se fait en $O(m \log m)$

Soit α la complexité de la comparaison

« Composante connexe (x) = composante connexe (y) »

La complexité de l'algorithme est $O(m \log m + m\alpha)$

Montrons que la complexité est en $O(m \log m)$

Union-Find

On souhaite **travailler sur les partitions** de $E = \{1, \dots, n\}$

Exemple :

	Partition = { {1,3} , {4} , {2,7,9}, {5,6,8,10} }			
classe d'équivalence	1	2	3	4

Etant donné une partition, on souhaite

- Trouver la classe d'un élément : **méthode Find**
- Fusionner deux classes d'équivalence : **méthode Union**

Dans l'algorithme de Kruskal : E = ensemble des sommets.

- Deux sommets u et v sont dans une **même composante connexe** si **Find(u) = Find(v)**
- Si on choisit l'arête (u,v) , on **fusionne deux composantes connexes** en une : **Union(u,v)**

Une solution peu efficace

On représente la partition par **un tableau tab**, tel que $\text{tab}[i]$ soit le numéro de la classe d'équivalence de l'élément i .

$$P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$$

classe 1 2 3 4

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1	3	1	2	4	4	3	4	3	4

Find : complexité en $O(1)$

Union : complexité en $O(n)$

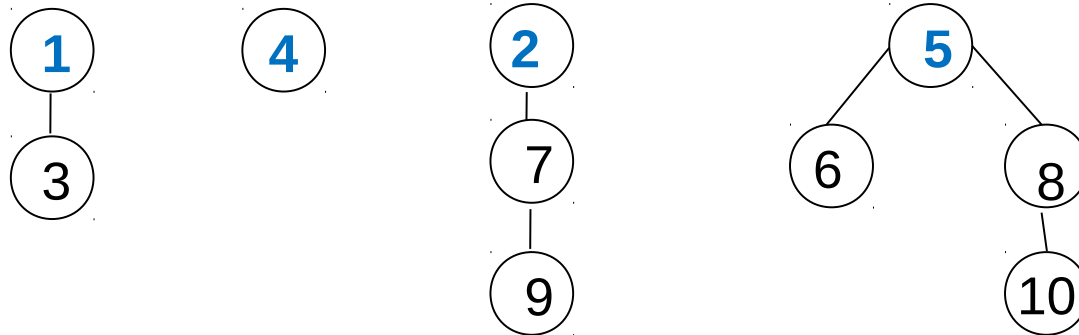
Une meilleure solution

On représente la partition par une forêt.

- Chaque **arbre** correspond à une **classe d'équivalence**.
- La **racine** de chaque arbre est le "**représentant**" de la classe.

On représente la forêt par un tableau père, tel que père[i] est le père de l'élément i, en **posant père[i]=i** pour une **racine**.

$$P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$$

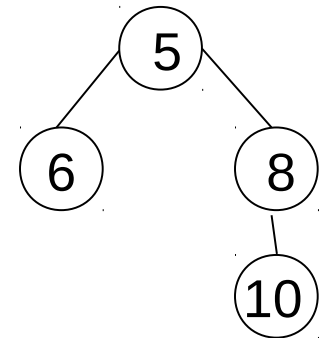
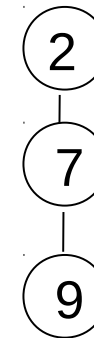
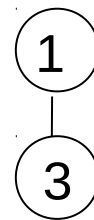


	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
père	1	2	1	4	5	5	2	5	7	8

Find

```
fonction Find(entier x): entier;  
Tant que (x ≠ père[x])  
    x := père[x];  
FinTantque  
Retourner(x)
```

Exemple: Find(9) P = { {1,3} , {4} , {2,7,9}, {5,6,8,10} }



	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
père	1	2	1	4	5	5	2	5	7	8

père[9]=7 ; père[7]=2; père[2]=2; retourner(2)

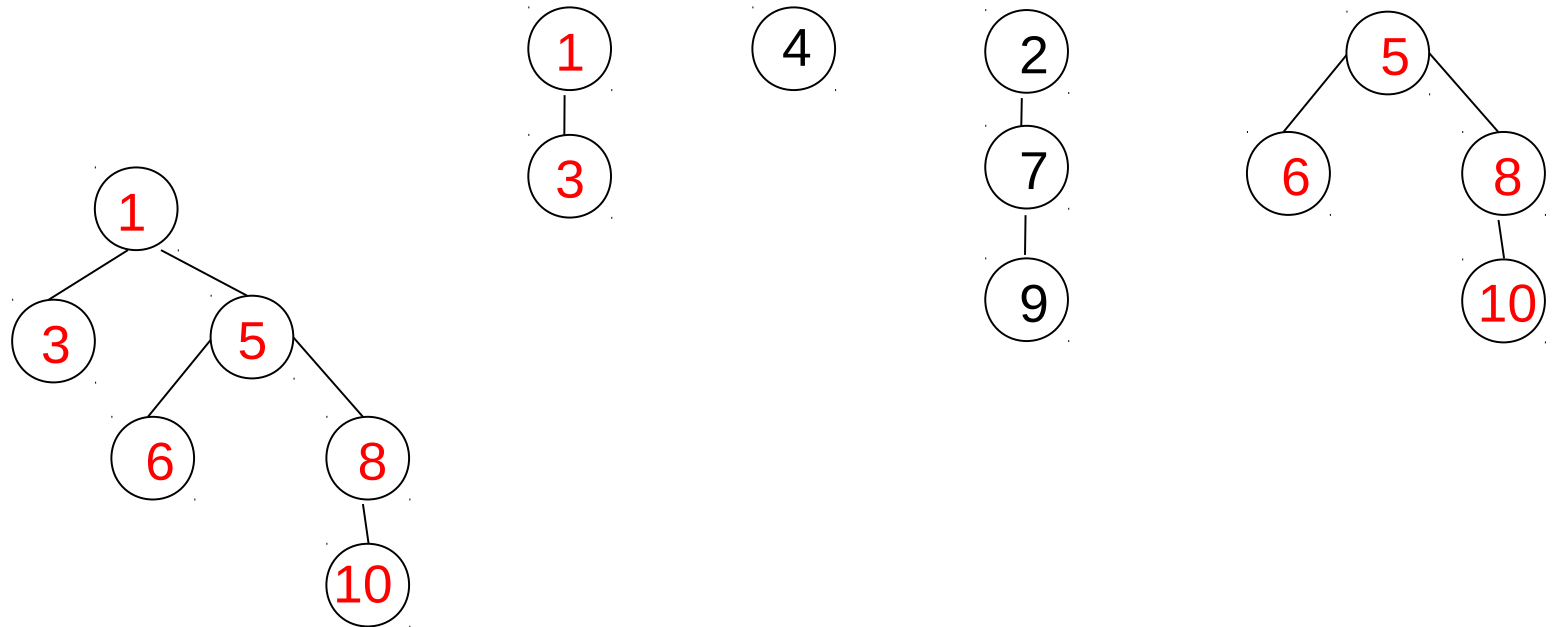
Union

```
procédure Union (entier x, entier y): entier;  
r1= Find(x);  
r2 = Find(y);  
Si (r1 ≠ r2) alors  
    père[r2]= r1;  
FinSi
```

Exemple: Union(3,8) $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$

Find(3)=1
Find(8)=5

père[5]=1

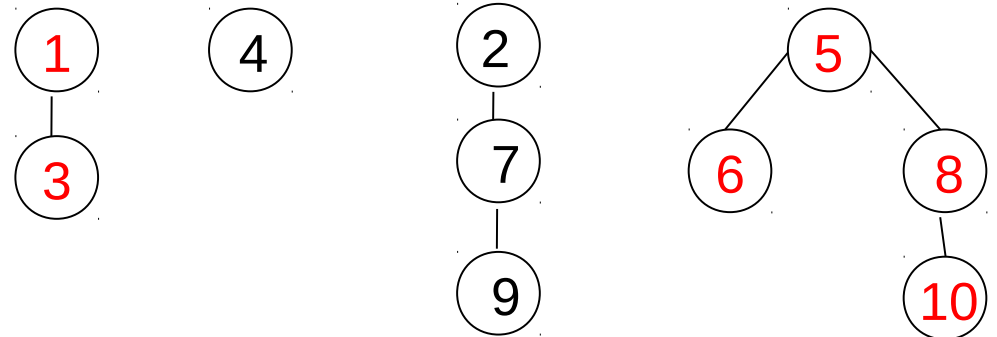


Union pondérée

L'opération Find s'effectue en temps $O(h)$, où h est la hauteur de l'arbre. Pire cas : $h = O(n)$

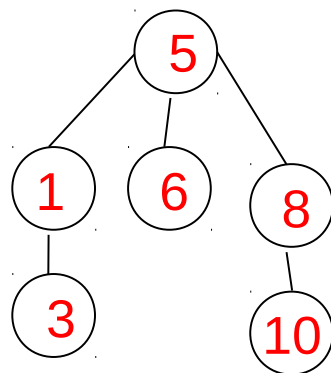
Lors de l'union de deux arbres, la racine de l'arbre avec le moins de sommets devient fils de la racine de l'autre.

Exemple: $\text{Union}(3,8)$ $P = \{ \{1,3\}, \{4\}, \{2,7,9\}, \{5,6,8,10\} \}$



Find(3)=1
Find(8)=5

père[1]=5



Union pondérée

On maintient un **tableau taille** (initialisé à 1 si l'on part de classes singleton) : si i est une racine, $\text{taille}[i]$ est le nombre de sommets de l'arbre de racine i .

```
procédure Union (entier x, entier y): entier;  
r1= Find(x);  
r2 = Find(y);  
Si (r1  $\neq$  r2) alors  
    Si (taille[r1])>taille[r2]) alors  
        père[r2] := r1;  
        taille[r1] :=taille[r1]+taille[r2]  
    sinon  
        père[r1] := r2;  
        taille[r2] :=taille[r1]+taille[r2]  
    FinSi  
FinSi
```

Union pondérée

La hauteur d'un arbre à n sommets créé par une suite d'unions pondérées est $\leq 1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

Preuve: Par récurrence sur n

- *Cas de base* : vrai pour $n=1$.

- *Induction* :

Soit T un arbre obtenu par union pondérée d'un arbre à x sommets (avec $1 \leq x \leq n/2$) et d'un arbre à $(n-x)$ sommets.

Hauteur(T) $\leq \max(1 + \lfloor \log_2(n-x) \rfloor, 2 + \lfloor \log_2(x) \rfloor)$.

Or $\log_2(n-x) \leq \log_2(n)$

et $\log_2(x) \leq \log_2(n/2) \leq \log_2(n) - 1$

La hauteur de T est donc majorée par $1 + \lfloor \log_2(n) \rfloor$

Union et **Find** sont donc en $O(\log n)$

Complexité de l'algorithme de Kruskal

Algorithme de Kruskal:

Trier les arêtes par coût croissant;

H = arbre vide;

Examiner dans l'ordre chacune des arêtes $\{x,y\}$:

S'il n'existe pas de chaîne de x à y dans H :

$H = H \cup \{x,y\}$

FinSi

Union et Find sont en $O(\log n)$

Complexité de Kruskal : $O(m \log m + m \log n) = O(m \log m)$

Et si les coûts des arêtes sont faibles (en $O(m)$), de façon à ce que Trier(ensemble des arêtes) se fasse en $O(m)$?

On cherche à améliorer la complexité de Union et Find.

Compression de chemins

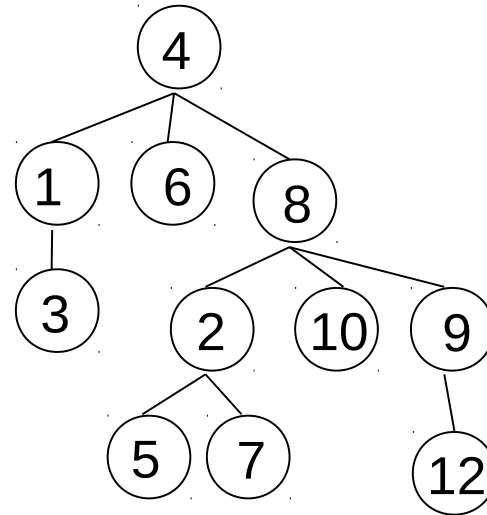
Quand on remonte du sommet x vers sa racine r , on refait le parcours en faisant de chaque sommet rencontré un fils de r .

```
fonction Findsimple(x): entier;  
Tant que (x ≠ père[x])  
    x := père[x];  
FinTantque  
Retourner(x)
```

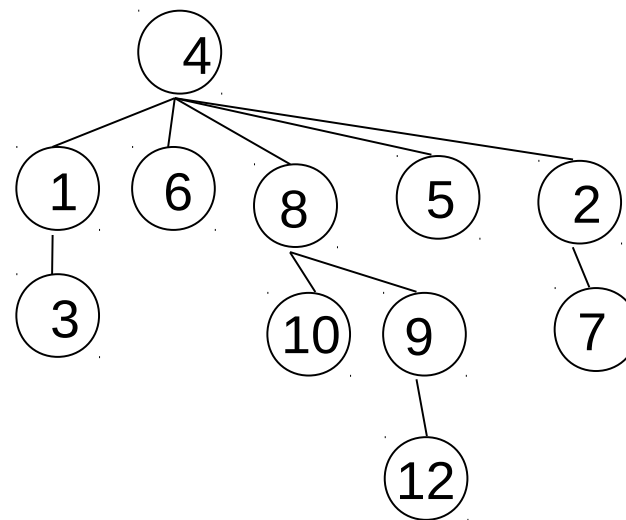
```
fonction Find(entier x): entier;  
r := Findsimple(x);  
Tant que (x ≠ père[x])  
    y := père[x]  
    père[x] := r;  
    x := y;  
FinTantque  
Retourner(x)
```


Exemple : Find(5)

Arbre initial :



Arbre final :



Complexité de Union et Find?

Complexité amortie : n opérations Union + m opérations Find se réalisent en temps $O(n + m \alpha(n,m))$, où α est une fonction qui croît très très lentement.

En effet, $\alpha(n,m)$ est la réciproque de la fonction d'Ackermann qui croît extrêmement vite: on a $\alpha(n,m) \leq 4$ pour $n,m \leq 2^{2048}$.

En pratique, $\alpha(n,m)$ est donc une constante.

Complexité de l'algorithme de Kruskal?

Si on suppose que $\text{Tri}(\text{arêtes})$ est effectué en temps $O(m)$.

On a alors n Union et m Find sur n éléments : ceci se fait en $O(n + m \alpha(n,m))$.

Rappel: dans le cas général la complexité est en $O(m \log m)$.

